1	ANÁLISE DE PADRÕES FRACTAIS DE COLÔNIAS MICROBIANAS
2	Natália da S. MENDONÇA ¹ ; Maxwel A. ABEGG; Ana P. FACCIO;
3	Universidade Federal do Amazonas – UFAM
4	Instituto de Ciências Exatas e Tecnologia – ICET
5	¹ Bolsista FAPEAM: Graduação em Farmácia
6	natalia_natty04@hotmail.com; maxabegg@gmail.com; apfaccio@yahoo.com.br
7	

8 Análise de padrões fractais de colônias microbianas

9 Resumo

10 Objetos e fenômenos encontrados na natureza são formas não lineares e por apresentarem irregularidades, dimensão fracionada e complexidade infinita, são 11 12 descritos pela geometria fractal. A análise fractal na microbiologia pode descrever padrões de crescimento de microrganismos e permite a integração de diversos temas das 13 ciências exatas e da saúde. Certas espécies de bactérias e fungos quando expostas a 14 ambientes que promovam certos tipos de estresse, podem desenvolver estratégias de 15 adaptação e sobrevivência como a formação de colônias complexas, por vezes com 16 geometria fractal, apresentando dimensão fractal entre 1 e 2. Neste estudo, utilizamos 17 18 diferentes meios de cultura e condições de crescimento, a fim de induzir a formação de colônias fractais por bactérias e leveduras e avaliamos, de forma preliminar, a influência 19 de soro humano no desenvolvimento fractal bacteriano. Através da utilização do 20 software IMAGEJ 1.46r e aplicação do método de Box Counting, foi possível 21 comprovar a natureza fractal das colônias e averiguar diferenças no padrão de 22 23 crescimento em função do meio de cultura utilizado e da presença de soro humano. Foi 24 verificado que o soro humano influencia no padrão fractal de microrganismos 25 potencialmente patogênicos e promove, de modo geral, o aumento nas dimensões das 26 colônias, mesmo na presença de atividade inibitória do sistema imune. O presente estudo permitiu a padronização de uso do software referido acima para futuros trabalhos 27 28 envolvendo a influência de diferentes fatores no crescimento de microrganismos em 29 superfícies sólidas, ocasionalmente envolvendo a formação de colônias fractais.

30 Palavras-Chave: geometria fractal, dimensão fractal, *Box Counting*, bactérias,
31 leveduras.

32 Abstract

Objects and phenomena found in nature are nonlinear forms and present 33 34 irregularities, fractional dimension and infinite complexity, being described by fractal geometry. The fractal analysis in microbiology can describe growth patterns of 35 microorganisms and allows integration of diverse subjects of sciences and health. 36 37 Certain species of bacteria and fungi when exposed to environments which promote some types of stress may develop strategies to adapt and survive the formation of 38 39 complex colonies, sometimes with fractal geometry, with fractal dimensions between 1 and 2. In this study, we used culture media and growth conditions to induce fractal 40 colony formation by bacteria, yeasts and evaluated in a preliminary manner, the 41 42 influence on the development of human serum fractal bacteria. By using the ImageJ 1.46r software application Box Counting method, it was possible to prove the fractal 43 nature of the colonies and to evaluate differences in growth pattern depending on 44 culture medium used and the presence of human serum. It was found that human serum 45 influences the fractal pattern of potentially pathogenic microorganisms and promotes, in 46 47 general, the increase in size of the colonies, even in the presence of the inhibitory activity of the immune system. This study allowed us to standardize the use of the 48 software mentioned above for future work involving the influence of different factors on 49 50 the growth of microorganisms on solid surfaces, occasionally involving the formation of 51 colonies fractals.

52

53 Keywords: fractal geometry, fractal dimension, Box Counting, bacteria, yeasts.

54 **1. INTRODUÇÃO**

Nos anos 60, o matemático Benoît Mandelbrot usou o adjetivo "fractal" para indicar objetos cuja complexidade geométrica não pode ser caracterizada por uma dimensão inteira. O termo fractal deriva do adjetivo latino *fractus*, vindo do verbo *frangere*, cujo significado é "quebrar, fraturar" (Guerrini 1996). O conceito de fractal foi proposto por Mandelbrot como uma forma de descrever dimensões "entre" as dimensões convencionais de 0 a 3 e estruturas que não são nem pontos, linhas e superfícies Euclidianas, nem sólidos (Mandelbrot 1982).

A principal atração da geometria fractal vem de sua habilidade de descrever a
forma irregular ou fragmentada de aspectos naturais, bem como de outros objetos
complexos que a geometria Euclidiana falha em analisar (Lopes e Betrouni 2009).

Segundo Menezes e Cunha (2003), existem dois tipos de fractais: os 65 geométricos (determinísticos) e os não lineares (ou aleatórios). Os fractais geométricos 66 ou determinísticos são gerados a partir de reproduções exatas de si mesmos em menor 67 escala. Apesar de suas características especiais, os objetos fractais descritos como 68 69 determinísticos não permitem descrever inteira ou adequadamente as formas existentes na natureza. Já os fractais não lineares, exibem auto semelhança aproximada. Esta 70 71 classe recebeu a denominação de fractais não determinísticos e difere dos anteriores por 72 incluir certo grau de aleatoriedade.

Das características que definem um fractal, a mais importante é a dimensão fractal, a qual representa o nível de irregularidade de um fractal e pode ser determinada pelo método de aproximação *Box Counting* (método de contagem de caixas), o qual é indicado para formas não lineares. Este método emprega o princípio do preenchimento do objeto e consiste em cobrir a imagem com uma malha de quadrados/caixas, feito a

cada interação com caixas sucessivamente menores e a partir daí procede-se a contagem
dessas caixas, necessárias para cobrir o objeto (Backes e Bruno 2005). Segundo
Papagianni (2006), a dimensão fractal expande a dimensão Euclidiana de forma que esta
indica o grau pelo qual o delineamento de uma imagem ou objeto desvia da lisura e
regularidade.

Teorias comuns do crescimento e fisiologia microbianas são formuladas
exclusivamente em termos de microrganismos isolados, especialmente bactérias.
Segundo Boschke e Bley (1998), "esta é uma simplificação inadmissível em função de
que é óbvio que a organização de populações microbianas e colônias seguem certas
regras gerais".

88 Um aspecto do comportamento cooperativo de bactérias é a formação de colônias complexas com padrões espaço temporais diferentes, conforme necessário para 89 resposta eficiente a condições ambientais difíceis, tais como em ausência de nutrientes, 90 superfícies rígidas, calor extremo e químicos danosos. Para coordenar tais iniciativas 91 cooperativas, bactérias desenvolveram métodos de sinalização célula-célula, incluindo 92 93 interações físicas diretas, secreção de materiais extracelulares lubrificantes, 94 comunicação bioquímica por moléculas *quorum sensing* e sinalização por quimiotaxia. 95 Estes comportamentos complexos envolvem a ativação de muitos genes e possibilitam a 96 sobrevivência da colônia como um todo (Be'er et al. 2009).

97 O comportamento cooperativo é observado em uma ampla gama de
98 microrganismos. Todos possuem um amplo e inesperado repertório de mecanismos de
99 sinalização químicos e físicos. *Escherichia coli* e *Salmonella typhimurium* usam
100 quimiotaxia atrativa para recrutar seus pares para detoxificação de seu ambiente.

101 Paenibacillus dendritiformis e Serratia marcescens cooperativamente produzem
102 lubrificantes nos quais nadam (revisado em Be'er *et al.* 2009).

103 A análise fractal foi introduzida na microbiologia para descrever padrões de 104 crescimento. Foram observadas que diferenças morfológicas de estruturas miceliais 105 fúngicas ou de colônias de bactérias e leveduras tem correlação com patogenicidade 106 (Tremblay e Déziel 2010), bem como com crescimento, atividade metabólica, produção 107 enzimática e pigmentação (Obert *et al.* 1990).

Obert *et al.* (1990) foram os primeiros a demonstrar a utilidade da geometria fractal para descrever padrões de crescimento microbiano em diferentes cenários de meios de cultura. Boschke e Bley (1998) testaram leveduras com relação ao seu padrão de crescimento, através da variações de parâmetros do meio como a concentração de nutrientes. Estes autores observaram padrões de crescimento similares aos descritos na literatura para bactérias.

114 Papagianni (2006) demonstrou que a sensibilidade a efeitos de tratamentos é um dos maiores benefícios de utilizar a dimensão fractal. Em qualquer caso, a análise 115 116 fractal fornece índices quantitativos de morfologia que podem ter aplicabilidade geral e 117 podem ser utilizadas em correlações empíricas ou teóricas entre morfologia e outras 118 propriedades. A atração na análise fractal baseia-se em sua habilidade de quantificar 119 aspectos do desenvolvimento de fungos em crescimento e através disso fornecer uma ferramenta para quantificar objetivamente o efeito de várias mudanças no ambiente de 120 121 cultivo. Segundo esta autora, desde que dimensões fractais dão uma medida do grau de 122 complexidade e das propriedades de preenchimento de um objeto, pode ser possível que 123 um grande número de parâmetros morfológicos que contribuem para a complexidade geral de partículas, podem ser substituídos por estes índices efetivamente. 124

125 Neste estudo, objetivou-se gerar informações acerca da análise de colônias 126 fractais de microrganismos a partir de ciências não lineares, capazes de modelar a 127 complexidade tanto estrutural quanto funcional observada nestes fenômenos naturais. Promover a integração das ciências exatas às ciências da saúde, apropriando-se dos 128 129 conhecimentos da geometria fractal para caracterizar o processo de crescimento de microrganismos. E, desde que, até onde sabemos a influência da ação do soro humano 130 no crescimento de colônias fractais de microrganismos potencialmente causadores de 131 132 septicemia, não foi previamente determinada, o que levou a realizar este tipo de análise.

133

134

2. MATERIAL E MÉTODOS

2.1. Revisão de definições, classificações e dimensão de fractais

135 Considerou-se fundamental a introdução de conceitos necessários para o
136 desenvolvimento do projeto. A fim de possibilitar o acesso a definições, classificações e
137 dimensão da teoria de fractais, referências bibliográficas clássicas e páginas da internet,
138 tais como: http://classes.yale.edu/fractals/ (Frame *et al.* 2012), foram utilizadas.

139

2.2.Obtenção de colônias fractais de microrganismos

O crescimento fractal de espécies bacterianas foi observado principalmente
com a utilização de meios mínimos, como o de Davis e Mingioli (1950), e não foi
possível observar tal padrão em meios completos, como o ágar infuso cérebro-coração
(BHI) (Matsuyama *et al.* 1989).

Inicialmente induziu-se a formação de colônias fractais em cepas das seguintes
espécies de enterobactérias: *Escherichia coli*, *Bacillus cereus*, *Bacillus subtilis* e *Salmonella thyphimurium* e do coco gram-positivo *Staphylococcus aureus*.

147 Os meios de cultivo para bactérias utilizados foram os seguintes, de acordo
148 com Matsuyama *et al.* (1989) e (Fujikawa 1994):

O meio mínimo de Davis e Mingioli, tem a seguinte composição: K₂HPO₄ 7,0
g, KH₂PO₄ 3,0 g, Na₃-citrato x 3H₂O 0,5 g, MgSO₄ x 7H₂O 0,1 g, (NH₄)2SO₄ 1,0 g,
glicose (autoclavada separadamente) 2 g, H₂O 1000 mL, pH 7,0. Agar 1,5% como
agente solidificante. As placas foram incubadas a 37 °C (Davis e Mingioli 1950).

O meio Fujikawa, contendo 5 g de NaCl, 5 g de fosfato dibásico de potássio, 10 g L⁻¹ de peptona e 7 g L⁻¹ de ágar, pH 7,1 de acordo com Fujikawa (1994). Aqui, igualmente, ágar 1,5% foi utilizado como agente solidificante. A concentração de ágar de 1,5% impede, a princípio, a movimentação do tipo *swarming* de praticamente todos os microrganismos testados. No caso de avaliar o crescimento fractal, o deslocamento tipo *swarming*, em muitos casos não geraria padrões fractais, conforme demonstrado na literatura (Butler *et al.* 2010).

Foram adicionados 20 mL dos meios a uma placa de Petri plástica de 88 mm
de diâmetro (Ben-Jacob *et al.* 2000; Ingham e Jacob 2008). Segundo Ben-Jacob *et al.*(2000), a espessura exata e uniforme do ágar é importante para a obtenção de padrões
reprodutíveis de crescimento.

164 Um teste foi realizado inoculando-se as bactérias em ambos os meios no centro
165 da placa de Petri, incubando-as a 37 °C por aproximadamente 25 dias. Tal procedimento
166 foi realizado para confirmar quais espécies bacterianas cresceriam nos meios utilizados.

Posteriormente, para uma consequente padronização, realizando leituras de
absorbância em um espectrofotômetro, as bactérias foram inoculadas através da
aplicação de 10 μL de uma suspensão de cultivos frescos ajustada a uma OD_{650nm} = 1,0
(OD: Densidade óptica), no centro da placa dentro de uma câmara que foi mantida
úmida (Be'er *et al.* 2009). As placas foram incubadas a 37 °C durante 15 e 21 dias.
Realizou-se o mesmo procedimento para cepa de referência *Escherichia coli* K12

MG1655), *Escherichia coli* ATTC 25922, *Escherichia coli* 83 (isolada da cama de aves
em granjas do RS, pelo Dr. Benito Brito - UFRGS), *Salmonella typhi* ATCC 6539,
RS218 (cepa de referência NMEC, isolado do líquido cerebrospinal de recém-nascido
com meningite neonatal).

As seguintes espécies de leveduras foram inoculadas no meio Davis e Mingioli
e Fujikawa, com aproximadamente um mês de incubação a 30 °C: *Candida albicans*ATCC 18804 e *Candida parapsilosis* ATCC 22019.

180

181

2.3.Verificação da influência de soro humano no padrão fractal de microrganismos potencialmente patogênicos

Considerando que todas as espécies bacterianas são eventualmente associadas com infecções sanguíneas, as mesmas foram igualmente cultivadas em placas com os meios de cultura descritos acima, suplementados com 20% de um *pool* de soro humano de vários indivíduos adultos ou, para comparação, acrescidos de água destilada em lugar do soro, igualmente a 20% (a partir daqui, chamaremos este meio de "meio diluído") a fim de verificar a influência dos fatores presentes no soro no crescimento fractal das referidas espécies.

O soro foi previamente filtrado em um filtro de membrana (22 μm) e adicionado, na sua respectiva concentração, aos meios. A água destilada foi autoclavada antes de ser adicionada. Os meios suplementados com soro e diluídos com água foram vertidos em placas de Petri plásticas, com diâmetro de 88 mm. As placas foram deixadas paradas, fechadas, mas não seladas, a temperatura ambiente por 24 horas (Be'er *et al.* 2009).

195 Foram aplicados 10 μ L de uma suspensão de cultivos frescos das seguintes 196 bactérias: *E. coli* K12 MG1655, *E. coli* ATTC 25922, *S. typhi* ATCC 6539, *B. subtilis*

197 ATCC 19659, *B. cereus* ATCC 11778 e *S. aureus*, ajustados a uma $OD_{650nm} = 1,0$. As 198 placas foram incubadas a 37 °C, durante 15 dias. Todos os experimentos foram 199 realizados em triplicata. Realizou-se colorações de Gram com os cultivos de *B. cereus* 200 ATCC 11778, a fim de observar diferenças na morfologia celular em meio de cultura 201 com e sem a adição de soro humano.

202

2.4. Medição das colônias

203 Para mensurar o tamanho que cada colônia alcançou no tempo de incubação,
204 foram realizadas medições com auxílio de uma régua de 30 cm no final de cada
205 incubação.

O tamanho das colônias em meio de cultura com adição de soro humano (20%) e em placas com água (20%), em lugar de soro, foi mensurado após 96 horas de incubação com a extensão máxima das duas secções transversais perpendiculares (Golinski *et al.* 2008). Mediram-se as colônias novamente após 120, 216, 240 e 360 horas.

211 2.5. Determinação da dimensão fractal de colônias pelo método *Box* 212 *Counting*

Capturaram-se todas as imagens das colônias com uma máquina fotográfica
Canon *PowerShot* SD 1200 IS. As imagens foram tratadas com o *software Adobe Photoshop CS5.1* e com o *PhotoScape v3.6.3* tornando-se adequadas para estimação da
dimensão fractal através do método de contagem de caixas (*Box Counting*), no
programa *IMAGEJ* 1.46r (*Image Processing and Analysis in Java*).

Para determinar a Dimensão fractal das imagens no programa, primeiramente,
colocou-se a imagem em 8 *bit*, transformando-a em imagem binária, analisando-a na
ferramenta Fractal *Box Counting*, com um *box* de tamanho determinado em 64 divisões.

2.6. Validação da abordagem de utilização do software IMAGEJ 1.46r

Para ser utilizado na análise da dimensão fractal no presente trabalho,
inicialmente o programa *IMAGEJ* 1.46r foi validado através da análise fractal de dez
imagens de artigos já publicados (Matsuyama *et al.* 1989; Matsushita e Fujikawa 1990;
Matsuyama e Matsushita 1992; Fujikawa 1994; Mihail *et al* 1995; Ben-Jacob *et al.*2000) com suas respectivas dimensões fractais já determinadas, comparando-se o valor
descrito no artigo com o obtido durante a análise no programa.

228

2.7. Análise estatística dos dados

As médias de dimensões fractais de três colônias de cada microrganismo foram comparadas usando-se teste T de Student pareado para dois grupos ou ANOVA uma via, utilizando o *software* R (versão 2.15.1). O *software* estatístico R, de livre acesso (http://www.r-project.org/foundation/) foi utilizado em lugar do software SPSS, em função da licença de uso do mesmo ter expirado.

234

3. RESULTADOS E DISCUSSÃO

235

3.1.Obtenção de colônias fractais de microrganismos

Primeiramente, foi acompanhado o crescimento das placas das seguintes
enterobactérias: *E. coli, B. subtilis, B. cereus, S. thyphimurium* e de *S. aureus* inoculadas
tanto no meio Fujikawa, como no meio Davis e Mingioli.

Observou-se um padrão de formas irregulares e ramificadas em algumas das colônias em crescimento, ou seja, foram obtidas colônias das enterobácterias cultivadas nos meios citados que possuem um baixo teor de nutrientes, as quais sugeriram inicialmente possuírem um caráter fractal devido as suas formas complexas, aleatórias e aparentemente repetitivas, o que foi confirmado com a determinação da Dimensão fractal por *Box Counting*, posteriormente. Segundo Be'er *et al.* (2009), bactérias não são as criaturas solitárias simples de capacidades limitadas, conforme acreditava-se a alguns anos. Quando expostas a ambientes difíceis, tais como em ausência de nutrientes, podem coletivamente desenvolver estratégias sofisticadas de adaptação e sobrevivência, como a formação de colônias fractais.

Cada colônia tomou uma forma diferente, porém, nem todas as bactérias cresceram de forma ramificada em ambos os meios: *E. coli* formou colônias com aspecto fractal tanto no meio Fujikawa, quanto no meio Davis e Mingioli, porém, no meio Fujikawa, foi observado que para a colônia formar ramificações precisa-se de um tempo mais prolongado e apesar disso, as formas obtidas apresentaram-se menos ramificadas que as colônias da mesma cepa no meio Davis e Mingioli.

S. thyphimurium só formou colônias fractais no meio Davis e Mingioli,
apresentando uma colônia com forma mais arredondada no meio Fujikawa. B. subtilis e
B. cereus só formaram colônias fractais no meio Fujikawa e colônias com aspecto
circular no meio Davis e Mingioli. O S. aureus não formou colônia fractal em nenhum
dos dois meios utilizados, pois, apresentou uma forma completamente arredondada em
ambos os meios.

Vale ressaltar que a morfologia das colônias também diferiu com a espécie bacteriana. Certas espécies de bactérias geram colônias morfologicamente características em placas de ágar. O crescimento de colônias bacterianas obedece a várias leis biológicas, químicas e físicas e é controlado por fatores do meio ambiente. Quando estes, em determinadas condições, desempenham um papel no crescimento de bactérias, podem afetar a morfologia das colônias desenvolvidas. Assim, uma estirpe

bacteriana pode formar colônias com diferentes tipos de morfologia em meios contendo
diferentes constituintes (Fujikawa 1994).

270 Depois do conhecimento das espécies bacterianas que crescem no meio Fujikawa, Davis e Mingioli e as quais não crescem em nenhum dos dois meios, como o 271 272 S. aureus, foram feitas padronizações. O procedimento foi repetido três vezes durante o 273 projeto, onde o primeiro teve a duração de 15 dias e os dois últimos um período de 21 dias. Obteve-se então, novas colônias fractais, com formas bastante complexas de: E. 274 275 coli, B. cereus, B. subtilis e S. thyphimurium. Colônias fractais de K12 MG1655, E. coli ATTC 25922, E. coli 83, S. typhi ATCC 6539, RS218, foram obtidas posteriormente 276 277 (Figura 1).

278 Já com 24 horas de incubação, observou-se a formação de uma massa de células na zona de inoculação. Essa massa, na maioria das vezes, durante todo o 279 280 crescimento, manteve seu padrão circular, sendo mais compactada em alguns casos como nas colônias de: S. thyphimurium, E. coli, B. cereus, E. coli ATCC, S. typhi, K12 281 MG1655, RS218 e menos compactadas como nas colônias de: E. coli 83. Com o passar 282 283 do tempo de incubação, as colônias foram criando formas irregulares totalmente 284 aleatórias, ultrapassando a zona de inoculação, atingindo a partição o que as tornavam 285 ramificadas. A massa de células formadas nas ramificações das colônias era inferior em 286 quantidade às da zona de inoculação, onde havia uma concentração de células maior. 287 Em geral, o mecanismo de crescimento de todas as colônias apresentou-se complexo 288 (Figura 2).

Com a impossibilidade de aquisição de um dos reagentes (dihidrogenofosfato de sódio e amônio) para induzir colônias fractais de leveduras de acordo com o previsto originalmente no projeto, foram realizadas tentativas de obtenção de tais padrões de

crescimento com o meio Davies e Mingioli e com o meio de Fujikawa. Para *C. albicans*ATCC 18804 e *C. parapsilosis* ATCC 22019, obteve-se colônias fractais somente no
meio Fujikawa, após aproximadamente um mês de incubação (Figura 3). O meio de
Fujikawa pareceu apropriado para o estudo da influência de fatores no crescimento
fractal de leveduras.

As colônias fractais obtidas de leveduras ocuparam na maioria das vezes, quase a dimensão total da placa de Petri. Sendo que as ramificações só foram visíveis nos últimos dias de incubação, Nos dias anteriores, visualizava-se apenas a massa de células presente na zona de inoculação, porém esta não se formou logo após 24 horas, como as de bactérias.

302

303

3.2. Verificação da influência de soro humano no padrão fractal de microrganismos potencialmente patogênicos

A influência dos fatores presentes no soro no crescimento fractal de bactérias 304 patogênicas foi perceptível, logo nos primeiros dias de incubação ao analisar as 305 propriedades morfológicas das colônias, observando que a mesma espécie de uma 306 307 determinada bactéria forma em meio com soro humano, um tipo específico de colônia e no mesmo meio, porém, sem o pool de soro humano, somente diluído com água, a 308 309 colônia bacteriana adquire outra forma. Obteve-se crescimento bacteriano em todos os 310 meios com soro ou diluídos com água a 20%. No ágar Davis e Mingioli das cepas de: K12 MG1655, E. coli ATTC 25922, S. typhi ATCC 6539. No ágar Fujikawa de: B. 311 subtilis ATCC 19659, B. cereus ATCC 11778 e S. aureus. 312

Em meios com soro humano, mesmo com a inibição do sistema imune, as bactérias conseguiram sobreviver e formar colônias complexas, algumas vezes apresentando um crescimento bastante rápido, como das colônias fractais de *S. typhi*

316 ATCC 6539, que assim como E. coli ATCC 25922, formaram colônias fractais no meio 317 Davis e Mingioli com soro e no meio diluído, o mesmo acontecendo com K12 318 MG1655, porém nesse caso a massa de células da zona de inoculação da colônia no meio com soro era bem menos compactada. A compactação menor também foi 319 observada em colônias de B. subtilis ATCC 19659, no meio Fujikawa com soro. 320 321 Quando no meio diluído, observou-se que não houve formação de colônias fractais dessa espécie. As colônias obtidas de S. aureus no meio Fujikawa com soro 322 323 apresentaram aspectos fractais, possuindo ramificações ao redor da zona de inoculação, 324 diferentemente das colônias obtidas nesse meio em sua composição normal (Figura 4).

Em 96 horas de incubação, foi perceptível o aparecimento de um halo branco ao redor das colônias de *B. cereus* ATCC 11778, ou seja, ocorreu uma precipitação proteica do soro, as colônias formadas nesse meio não apresentaram aspecto fractal, porém no meio diluído, a mesma espécie apresentou colônias de natureza fractal com a massa de células além da zona de inoculação bastante ramificada (Figura 4).

O método de coloração de Gram foi realizado com as colônias de *B. cereus* ATCC 11778 obtidas nos meios com soro ou diluído. As colorações foram feitas a partir de células da zona de inoculação e da massa de células que ultrapassou essa zona. A partir de células da zona de inoculação do meio diluído, observaram-se bacilos curtos, a maioria corando-se Gram negativo. Das células da zona de inoculação do meio com soro, observou-se um pequeno número de bacilos levemente alongados. A maioria corou Gram negativo.

Nas células que ultrapassaram a zona de inoculação, no meio diluído, foram
observados bacilos mais alongados e muitos em divisão binária. A maioria corou Gram
positivo. Algumas das células apresentaram-se alongadas, como hastes retas com

extremidades arredondadas. Já nas células que ultrapassaram a zona de inoculação no
meio com soro observou-se uma tendência a diferenciação no sentido de elongação da
célula. Todos os bacilos eram notavelmente maiores e muitos estavam em divisão. A
maioria corou Gram positivo. Segundo Fazline et al. 2009, culturas jovens de *B. cereus*coram-se Gram-positivo e culturas antigas Gram-negativo, o que condiz com nossas
observações.

B. cereus pode ter realizado motilidade por swarming nas placas contendo soro 346 347 humano, já que nesse meio não houve a formação de colônias fractais e observou-se que 348 as células apresentaram uma diferenciação a elongação. Bactérias capazes de realizar motilidade por swarming como o B. cereus, passam por um processo de diferenciação, 349 350 caracterizado pela produção de células multinucleadas, alongadas e hiperflageladas. Em 351 contraste com os processos de crescimento fractal, *swarming* não é uma resposta à falta de nutrientes e varia dependendo do organismo e das condições ambientais de 352 crescimento. Acredita-se que o swarming é uma estratégia desenvolvida por 353 microrganismos flagelados para assegurar a sua rápida expansão no ambiente natural, 354 355 onde as atividades microbianas estão frequentemente associadas a superfícies sólidas 356 (Senesi et al. 2002).

357

3.3. Medição das colônias

Das padronizações, no período de 15 dias obteve-se como maior crescimento *E*. *coli* 4,0 x 3,2 cm, *B. cereus* 3,9 x 3,2 cm, *S. thyphimurium* 3,9 x 3,0 cm, *B. subitilis* 3,5
x 3,2 cm. No período de 21 dias obteve-se: *B. cereus* 6,1 x 5,0 cm, *E. coli* 5,0 x 4,2 cm, *S. thyphimurium* 4,6 x 3,6 cm, *B. subitilis* 2,7 x 2,6 cm, K12 MG1655 4,8 x 3,2 cm, *E. coli* ATCC 25922 5,8 x 4,0 cm, *E. coli* 83 4,1 x 2,9 cm, *S. typhi* ATCC 6539 3,4 x 2,3
cm, RS218 1,6 x 1,1 cm (Tabela 1).

364 Notavelmente, 0 crescimento das colônias bacterianas nos meios 365 suplementados com um pool de soro humano foi maior que nos meios diluídos, durante 366 os 15 dias, destacando que S. typhi ATCC 6539 formou colônias fractais maiores que das outras bactérias, atingindo 7,5 x 7,1 cm no meio Davis e Mingioli com soro (Tabela 367 2). Possivelmente, embora o soro em placas de meio de cultura apresente atividade de 368 369 imunoglobulinas potencialmente inibitórias, por ser um meio sólido, as mesmas tem sua 370 atividade limitada e os nutrientes do soro são explorados para ampliar o crescimento 371 microbiano (Psychogios et al. 2011).

372

373

3.4.Determinação da dimensão fractal de colônias pelo método *Box Counting*

374 Inicialmente, para algumas colônias fractais obtidas, foi utilizado o método 375 manual de Box Counting. Observou-se com estas análises que não seria possível aplicar 376 o mesmo tratamento de divisões que é obtido com softwares. Assim, a dimensão fractal foi estimada pelo método Box Counting, com auxílio do software IMAGEJ 1.46r do 377 Instituto Nacional de Saúde dos Estados Unidos (NIH), amplamente utilizado na 378 379 literatura e disponível gratuitamente na Internet (http://rsbweb.nih.gov/ij/). Esse 380 software considera o Box Counting em duas dimensões, permitindo a quantificação da 381 distribuição de pixels nesse espaço, não considerando, portanto, a textura da imagem. A 382 influência disso é que duas imagens com a mesma distribuição dos pixels, uma binarizada e outra em níveis de cinza, possuirão a mesma dimensão fractal. 383

A imagem obtida foi tratada para uma melhor estimação de sua dimensão fractal, observando que vários fatores, como a iluminação e o ruído das imagens interferem na estimação da dimensão fractal pelo programa utilizado.

As dimensões fractais obtidas com o *IMAGEJ* 1.46r apresentaram valores entre 1 e 2. (Tabela 2 e 3). Estas forneceram uma indicação da complexidade das colônias fractais obtidas. Muitas aplicações de conceitos fractais baseiam-se na habilidade de estimar acuradamente as dimensões fractais de objetos de amostras, especialmente quando sistemas caóticos, não lineares estão sendo caracterizados (Huang *et al.* 1994).

392 Ao compararmos as dimensões fractais (ANOVA uma via) de colônias das cepas de E. coli: E. coli ATTC 25922, K12 MG1655 e E. coli 83, cultivadas por 21 dias, não 393 394 foram observadas diferenças significativas (valor F = 2,151). A utilização do teste T 395 Student pareado para comparação das dimensões fractais entre cepas crescidas em meio com soro e em meio diluído, revelou diferença significativa somente para K12 MG1655 396 (p = 0,0045) e para B. subtilis ATCC 19659 (p= 0,0033). A observação visual das 397 placas, em conformidade com os resultados do teste T, demonstraram a complexidade 398 399 das colônias e natureza fractal similar nas placas com soro e no meio diluído.

A dimensão fractal, conforme exposto acima, não é um indicativo do tamanho da colônia ou do grau de crescimento do microrganismo. A mesma revela o grau de complexidade ou tortuosidade da imagem. O resultado aqui obtido, está de acordo com outras observações, como as de Roy *et al.* (2010), à medida que o tempo de cultivo ou a quantidade crescente de nutrientes, embora permita o crescimento da colônia, não necessariamente tornará a mesma mais complexa.

406

3.5. Validação da abordagem de utilização do software IMAGEJ 1.46r

407 Para o uso do programa no decorrer do projeto, se fez necessário uma 408 validação da nossa metodologia de utilização do mesmo. Para tal, valores de Dimensão 409 fractal de diferentes imagens de colônias microbianas, de referências sobre o tema, 410 foram por nós determinadas (Figura 5). A média (\bar{x}) da variação das dimensões fractais obtidas foi de 1,28 e o desvio padrão (σ) apresentou o valor de 0,34 (Tabela 4), com
isso, acredita-se que a metodologia e a utilização do software seja satisfatória para os
nosso propósitos.

414 **4**.

4. CONCLUSÃO

A teoria de fractais foi aplicada para descrever padrões de crescimento de bactérias e leveduras, que em meios de cultura com baixas quantidades de nutrientes cresceram formando colônias fractais, as quais apresentaram uma dimensão fractal entre 1 e 2, a partir de estimativa com o *software IMAGEJ* 1.46r.

O software referido aparentemente mostrou-se, considerando a validação feita, promissor para este fim. A influência da ação do soro humano no crescimento de colônias fractais de microrganismos potencialmente causadores de septicemia foi determinada. Foi possível observar que em meios com soro humano algumas espécies bacterinas crescem mais rapidamente que em meios pouco nutritivos normais, mesmo com a inibição por imunoglobulinas presentes no soro, formando colônias com aspecto fractal na maioria das vezes.

426 A análise fractal é uma ferramenta útil para caracterizar as dimensões fractais de
427 sistemas caóticos como o crescimento não linear microbiano, integrando as ciências
428 exatas às ciências da saúde.

429

5. AGRADECIMENTOS

À Profa. Ms. Ana Paula Faccio e ao Prof. Dr. Maxwel Adriano Abegg ao
apoio, confiança e orientação no desenvolvimento deste trabalho. Ao Instituto de
Ciências Exatas e Tecnologia (ICET) pela infraestrutura, ambiente proporcionado e
apoio financeiro e a Fundação de Amparo à Pesquisa do Estado do Amazonas
(FAPEAM) pela bolsa concedida.

435 **6. REFERÊNCIA BIBLIOGRÁFICA**

- 436 BACKES, A. R. & BRUNO, O. M. 2005. Técnicas de estimativa da dimensão fractal:
- 437 Um estudo comparativo. INFOCOMP Journal of Computer Science, 4 (3): 50-58.
- 438 BE'ER, A.; ZHANG, H. P.; FLORIN, E. L. et al. *Deadly competition between sibling*
- 439 bacterial colonies. PNAS, 106 (2): 2009.
- BEN-JACOB, E.; COHEN, I.; GOLDING, I. et al. 2000. Bacterial cooperative
 organization under antibiotic stress. Physica A, 282: 247-282.
- 442 BOSCHKE, E.; BLEY, T. H. 1998. Growth patterns of yeast colonies depending on
- 443 *nutrient supply*. Acta Biotechnologica, 18 (1): 17-27.
- 444 BUTLER, M. T.; WANG, Q.; HARSHEY, R. M. 2010. Cell density and mobility
- 445 protect sawarming bacteria against antibiotics. Proc Natl Acad Sci USA, 2010 Feb 23,
- 446 107(8):3776-81, doi 10.1073/pnas.0910934107, epub 2010 Feb 2.
- 447 DAVIS, B.D.; MINGIOLI, E.S. 1950. Mutants of Escherichia coli requiring methionine
- 448 *or vitamin B1*. J. Bacteriol., 60 (1): 17-28.
- 449 FAZLANI, S. A.; ABUBAKAR, M.; SHAH, S. I.; HASSAN, M.; ARSHED, M. J.
- 450 2009. Bio-Morphological Characteristics of Bacterial Species Identified from Mastitic
- 451 *Milk Samples of Camel.* The International Journal of Veterinary Medicine. Vol. 6 N° 1.
- 452 DOI: 10.5580/28 de 2009.
- 453 FRAME, M.; MANDELBROT, B.; NEGER, N. 2012. Fractal Geometry. Yale
- 454 University. Disponível em: http://classes.yale.edu/fractals. Acesso: 02/04/2012.
- 455 FUJIKAWA, H. 1994. Diversity of the growth patterns of Bacillus subtilis colonies on
- 456 *agar plates.* FEMS Microbiology Ecology, 13: 159-168.

- 457 GOLINSKI, M. R.; BOECKLEN, W. J.; DAWE, A. L. 2008. Two-dimensional fractal
- 458 growth properties of the filamentous fungus Cryphonectria parasitica: the effects of
- 459 *hypovirus infection*. Journal of Basic Microbiology, 48: 426-429.
- 460 GUERRINI, I. A. Apostila: Caos e fractais em Física Aplicada. Botucatu: IB/UNESP,461 1996.
- HUANG, Q.; LORCH, J. R.; DUBES, R. C. 1994. *Can the fractal dimension of images be measured?* Pattern Recognition, 27 (3): 339-349.
- 464 INGHAM, C. J.; JACOB, E. B. 2008. Swarming and complex pattern formation in
- 465 Paenibacillus vortex studied by imaging and tracking cells. BMC Microbiology, 8: 1-
- 466 16.
- 467 LOPES, R. & BETROUNI, N. 2009. Fractal and multifractal analysis: A review.
- 468 Medical Image Analysis, 13: 634–649.
- 469 MANDELBROT, B. B. 1982. The fractal geometry of nature. New York: W. H.
- 470 Freeman and Company.
- 471 MATSUSHITA, M.; FUJIKAWA, H. 1990. *Difusion limited growth in bacterial*472 *colony formation*. Physica A, 168: 498-506.
- 473 MATSUYAMA, T.; MATSUSHITA, M. 1992. Self-similar colony morphogenesis by
- 474 gram-negative rods as the experimental model of fractal growth by a cell population.
- 475 Appl. Environ. Microbiol., 58 (4): 1227-1232.
- 476 MATSUYAMA, T.; SOGAWA, M.; NAKAGAWA, Y. 1989. Fractal spreading
- 477 growth of Serratia marcescens wich produces surface active exolipids. FEMS
- 478 Microbiology Letters, 61: 243-246.
- 479 MENEZES, M. S.; CUNHA JR, H. A. 2003. Formas geométricas e estruturas fractais
- 480 na cultura africana e afrodescendentes In: DE PRETO A AFRODESCENDENTE:

- 481 trajetos de pesquisa sobre o negro, cultura negra e relações étnico-raciais no Brasil ed.
- 482 São Carlos: EduFSCar Editora da Universidade Federal de São Carlos, 307-320.
- 483 MIHAIL, J. D.; OBERT, M.; BRUHN, J. N. et al. 1995. Fractal geometry of diffuse
- 484 *mycelia and rhizomorphs of Armillaria species.* Mycological Research, 99 (1): 81-88.
- 485 OBERT, M.; PFEIFER, P.; SERNETZ, M. 1990. Microbial growth patterns described
- 486 *by fractal geometry*. Journal of Bacteriology, 172 (3): 1180-1185.
- 487 PAPAGIANNI, M. 2006 Quantification of the fractal nature of mycelial aggregation in
- 488 *Aspergillus niger submerged cultures*. Microbial Cell Factories, 5: 1-13.
- 489 PSYCHOGIOS, N; HAU, DD; PENG, J. et al. 2011. The Human Serum Metabolome.
- 490 PLoS ONE, 6(2): e16957.
- 491 ROY, M. K.; BANERJEE, P.; SENGUPTA, T. K.; DATTAGUPTA, S. 2010. Glucose
- 492 *induced fractal colony pattern of Bacillus thuringiensis.* Journal of Theorical Biology
- 493 265, 189-295.
- 494 SENESI, S.; CELANDRONI, F.; SALVETTI, S.; BEECHER, D. J.; WONG, A. C. L.;
- 495 GHELARDI, E. 2002. Swarming motility in Bacillus cereus and characterization of a
- *fliY mutant impaired in swarm cell differentiation.* Microbiology, 148, 1785–1794.
- 497 TREMBLAY, J. & DÉZIEL, E. 2010. Gene expression in Pseudomonas aeruginosa
- 498 *swarming motility*. BMC Genomics, 11: 587.
- 499

7. TABELAS

Bactérias	Meio de Cultivo	Medidas (cm)	Tempo de incubação
		3,5 x 3,0	15 dias
	Davis e Mingioli	4,0 x 3,2	15 dias
Eschorichia coli		5,0 x 4,2	21 dias
Escherichia con		4,7 x 4,4	21 dias
	Fujikawa	1,9 x 2,7	21 dias
	i ujikuwa	1,7 x 1,3	21 dias
		1,8 x 1,7	21 dias
		3,5 x 3,0	15 dias
Salmonella thyphimurium	Davis e Mingioli	3,9 x 3,0	15 dias
Saimonena myphimariam	Davis e Wiligion	4,6 x 3,6	21 dias
		3,9 x 3,5	21 dias
		2,4 x 2,1	21 dias
Staphylococcus aureus	Davis e Mingioli	1.8 x 1.8	15 dias
Ţ	8	y - y -	
		4,0 x 3,5	15 dias
D	Entiteren	3,9 x 3,2	15 dias
Baculus cereus	Fujikawa	4,8 x 5,0	21 dias
		5,9 x 4,1	21 dias
		6,1 x 5,0	21 dias
		3,2 x 3,2	15 dias
		3,5 x 3,2	15 dias
Baculus subtilis	Fujikawa	2,6 x 2,3	21 dias
		2,7 x 2,6	21 dias
		2,6 x 2,3	21 dias
		2,5 x 2,8	21 dias
Escherichia coli ATCC 25922	Davis e Mingioli	5,0 x 4,0	21 dias
	C	4,0 x 3,5	21 dias
		5,0 x 4,5	21 dias
	De la Minstell	2,8 x 3,1	21 dias
Escherichia coli 83	Davis e Mingioli	4,1 x 2,9	21 dias
		3,2 x 3,0	21 dias
		4,0 x 3,2	21 dias
K12 MG1655	Davis e Mingioli	4,6 x 4,5	21 dias
	Ũ	4,7 x 4,8	21 dias
		4,7 x 4,9	21 dias
	Davis e Mingioli	3,4 x 2,3	21 dias
Saimonella typhi ATCC 6539	6	3,1 x 2,3	21 dias
RS218	Davis e Mingioli	1,6 X 1,1	21 dias

501 Tabela 1. Medição das colônias fractais obtidas nos meio Fujikawa e Davis e Mingioli

504 Tabela 2. Medição de colônias de diferentes cepas bacterianas testadas nos meios com

505 soro ou diluídos com água e suas respectivas Dimensões fractais obtidas com o

506 *IMAGEJ* 1.46r.

Doctório	Maia		Dimensão				
Dacteria	Mielo	96 h	120 h	216 h	240 h	360 h	Fractal
			SOF	RO			
		1,5 x 1,4	1,9 x 1,9	1,9 x 1,9	2,2 x 2,0	2,7 x 2,3	1,866
B. cereus	E	1,9 x 1,4	2,0 x 1,6	2,9 x 2,9	3,8 x 3,2	5,0 x 4, 7	1,946
ATCC 11778	Fujikawa	1,5 x 1,5	1,6 x 1,6	2,0 x 1,9	2,2 x 2,1	3,1 x 3,0	1,844
		1,8 x 1,5	1,9 x 1,5	2,2 x 1,9	2,3 x 1,9	3,1 x 2,6	1,929
			DILU	ÍDO			
		1,4 x 1,5	1,7 x 1,7	2,0 x 2,7	2,6 x 2,9	4,5 x 4,4	1,733
B. cereus	E	1,3 x 1,1	1,35 x 1,2	2,0 x 1,9	2,3 x 2,1	3,4 x 3,2	1,82
ATCC 11778	Fujikawa	1,6 x 1,5	1,7 x 1,6	2,7 x 2,8	3,1 x 3,2	4,4 x 4,4	1,828
		1,5 x 1,5	1,9 x 1,8	2,7 x 2,4	2,9 x 2,7	3,0 x 3,8	1,874
			SOF	RO			
		1,4 x1,3	1,6 x 1,4	2,2 x 2,0	2,5 x 2,2	3,5 x 2,8	1,865
K12	Davis e	1,4 x 1,2	1,4 x 1,4	2,2 x 1,8	2,4 x 1,9	3,4 x 3,0	1,889
MG1055	Mingioli	1,3 x 1,3	1,4 x 1,4	1,7 x 1,6	1,8 x 1,7	2,2 x 1,7	1,865
		1,3 x 1,4	1,6 x 1,5	2,3 x 2,0	2,3 x 2,0	3,2 x 2,7	1,857
			DILU	ÍDO			
	Davis e	1,1 x 1,0	1,2 x 1,1	1,6 x 1,3	1,6 x1,3	1,9 x 1,7	1,885
K12		1,1 x 1,0	1,3 x 1,2	1,7 x 1,4	1,7 x 1,5	2,1 x 1,9	1,901
MG1655	Mingion	1,2 x 1,4	1,3 x 1,4	1,5 x 1,5	1,7 x 1,7	2,0 x 1,7	1,882
		1,2 x 0,9	1,3 x 1,1	1,7 x 1,5	1,8 x 1,5	2,0 x 2,0	1,88
			SOF	RO			
		1,5 x 1,3	1,6 x 1,5	2,5 x 2,0	2,9 x 2,3	4,2 x 2,5	1,811
E. coli ATTC	Davis e	1,5 x 1,4	1,75 x 1,7	3,2 x 3,1	3,7 x 3,5	5,7 x 5,4	1,902
25922	Miligion	1,4 x 1,2	1,5 x 1,4	1,8 x 1,7	2,0 x 1,9	2,8 x 2,4	1,913
		1,5 x 1,2	1,6 x 1,3	2,4 x 2,1	2,7 x 2,3	3,7 x 3,5	1,9
			DILU	ÍDO			
		1,1 x 1,0	1,2 x 1,1	1,5 x 1,4	1,6 x 1,5	1,8 x 1,9	1,909
E. coli ATTC	Davis e	1,2 x 1,1	1,3 x 1,2	1,6 x 1,5	1,7 x 1,7	2,0 x 1,9	1,888
25922	Mingioli	1,1 x 1,1	1,3 x 1,2	1,5 x 1,5	1,6 x 1,5	1,7 x 1,7	1,895
		1,1 x 1,1	1,2 x 1,2	1,4 x 1,3	1,5 x 1,4	1,9 x 1,6	1,901
			SOF	RO			
		2,3 x 1,8	2,7 x 2,3	4,3 x 3,8	4,3 x 4,6	6,1 x 6,1	1,845
S. typhi	Davis e	2,3 x 2,2	2,7 x 2,8	5,4 x 4,6	6,0 x 5,0	7,3 x 6, 1	1,914
ATCC 6539	wingion	2,3 x 1,7	3,0 x 2,5	5,2 x 5,4	5,9 x 5,3	7,5 x 7,1	1,867
		2,2 x 1,7	2,5 x 2,1	3,9 x 4,2	4,3 x 3,7	4,6 x 4,7	1,922

DILUÍDO									
		1,7 x 1,8	2,1 x 2,0	3,3 x 3,2	3,5 x 3,5	4,9 x 4,7	1,933		
S. typhi	Davis e Mingioli	1,6 x 1,5	1,8 x 1,9	3,0 x 3,1	3,2 x 3,3	4,5 x 4,4	1,935		
ATCC 6539	Wington	1,7 x 1,4	2,0 x 1,6	2,0 x 2,8	3,1 x 2,4	4,1 x 3,1	1,923		
		1,5 x 1,5	1,8 x 1,7	2,6 x 2,6	2,8 x 2,7	3,8 x 3,7	1,924		
			SOF	RO					
		1,4 x 1,2	1,5 x 1,3	1,9 x 1,6	2,0 x 1,9	2,3 x 2,3	1,892		
B. subtilis	Fujikawa	1,7 x 1,4	1,7 x 1,4	2,2 x 1,7	2,4 x 1,9	2,7 x 2,1	1,885		
ATCC 19659		1,3 x 1,1	1,3 x 1,1	1,6 x 1,4	1,9 x 1,5	2,1 x 1,9	1,884		
		1,1 x 1,1	1,2 x 1,2	1,7 x 1,6	1,7 x 1,7	2,1 x 2,1	1,903		
			DILU	ÍDO					
		0,8 x 0,8	0,9 x 0,85	1,1 x 1,1	1,2 x 1,1	1,5 x 1,4	1,613		
B. subtilis	Fujikawa	1,0 x 0,9	1,0 x 0,95	1,2 x 1,1	1,3 x 1,2	1,7 x 1,6	1,645		
11100 19039		0,9 x 1,0	1,1 x 1,0	1,3 x 1,2	1,4 x 1,3	1,9 x 1,6	1,45		
SORO									
c	T ''1	1,0 x 1,3	1,5 x 1,1	2,0 x 1,4	2,0 x 1,4	2,5 x 1,6	1,874		
S. aureus	Fujikawa	1,5 x 1,6	1,5 x 1,6	1,9 x 1,6	2,0 x 1,7	2,3 x 2,0	1,888		
		1,6 x 1,3	1,6 x 1,5	1,9 x 1,7	2,0 x 1,9	2,3 x 2,2	1,866		

- 510 Tabela 3. Dimensões fractais obtidas com o *IMAGEJ* 1.46r das colônias nos meios
- 511 Davis e Mingioli e Fujikawa.

Bactérias	Meio de Cultivo	Dimensão Fractal	Tempo de incubação
Escherichia coli	Davis e Mingioli Fujikawa	1,932 1,918 1,848 1,924 1,844 1,844	15 dias 15 dias 21 dias 21 dias 21 dias 21 dias 21 dias
Salmonella thyphimurium	Davis e Mingioli	1,883 1,929 1,932 1,928 1,919 1,925	21 dias 15 dias 21 dias 21 dias 21 dias 21 dias
Staphylococcus aureus	Davis e Mingioli	1,933	15 dias
Bacillus cereus	Fujikawa	1,807 1,93 1,926 1,927 1,853	15 dias 15 dias 21 dias 21 dias 21 dias
Bacillus subtilis	Fujikawa	1,931 1,89 1,9 1,87 1,868	15 dias 15 dias 21 dias 21 dias 21 dias
Escherichia coli ATCC 25922	Davis e Mingioli	1,891 1,879 1,89 1,899	21 dias 21 dias 21 dias 21 dias
Escherichia coli 83	Davis e Mingioli	1,873 1,903 1,883	21 dias 21 dias 21 dias
K12 MG1655	Davis e Mingioli	1,902 1,902 1,902 1,9	21 dias 21 dias 21 dias 21 dias
Salmonella typhi ATCC 6539	Davis e Mingioli	1,907 1,899	21 dias 21 dias
RS218	Davis e Mingioli	1,818	21 dias

514 Tabela 4. Validação da abordagem de utilização do *software IMAGEJ* 1.46r.

Figuras	Referências	Df de referências	Df obtida (IMAGEJ)	Variação (%)
А	Matsushita e Fujikawa, 1990	1,72	1,75	1,74
В	Fujikawa, 1994	1,73	1,76	1,73
С	Matsuyama e Matsushita, 1992	1,76	1,78	1,14
D	Matsuyama e Matsushita, 1992	1,80	1,83	1,11
Е	Bem-Jacob et al. 2000	1,8	1,82	1,11
F	Mihail et al. 1995	1,36	1,34	1,47
G	Mihail et al. 1995	1,40	1,38	1,43
Н	Mihail et al. 1995	1,48	1,46	1,35
Ι	Mihail et al. 1995	1,62	1,61	0,62
J	Mihail et al. 1995	1,81	1,73	3,31
				$\bar{x} = 1,28$

$\bar{x} =$	1,28	
$\sigma =$	0,34	

8. FIGURAS



Figura 1. Obtenção de colônias fractais de bactérias incubadas durante 15 ou 21 dias. (A) *B. cereus*, meio Fujikawa – 15 dias; (B) *B. cereus*, meio Fujikawa – 21 dias; (C) *B. subitilis*, meio Fujikawa – 15 dias; (D) *B. subitilis*, meio Fujikawa – 21 dias; (E) E. coli 83, meio Davis e Mingioli – 21 dias; (F) E. coli, meio Davis e Mingioli – 21 dias; (G) E. coli, meio Davis e Mingioli – 21 dias; (H) E. coli, meio Fujikawa – 21 dias; (I) *E. coli* ATTC 25922, meio Davis e Mingioli – 21 dias; (J) *S. thyphimurium*, meio Davis e Mingioli – 21 dias; (K) *S. thyphimurium*, meio Davis e Mingioli – 15 dias; (L) *S. typhi* ATCC 6539, meio Davis e Mingioli – 21 dias; (M) K12 MG1655, meio Davis e Mingioli – 21 dias; (N) *S. aureus*, meio Davis e Mingioli – 15 dias.



Figura 2. Crescimento das colônias a partir do segundo dia até o décimo quinto dia de incubação no meio Davis e Mingioli. (A) Massa de células com menor compactação de *E. coli* 83 formada na zona de inoculação no segundo dia; (B) Massa de células da zona de inoculação iniciando ramificação no sétimo dia; (C) Colônia fractal aos 15 dias; (D) Colônia fractal da referida espécie ao final dos 21 dias; (E) Massa de células compactada de *E. coli* ATTC 25922, formada na zona de inoculação no segundo dia; (F) Massa de células da zona de inoculação iniciando ramificação no segundo dia; (F) Massa de células da zona de inoculação iniciando ramificação no sétimo dia; (G) Colônia fractal aos 15 dias; (H) Colônia fractal da referida espécie ao final dos 21 dias.



Figura 3. Colônias fractais obtidas de leveduras no meio Fujikawa em aproximadamente 1 mês de incubação. (A) *Candida parapsilosis* ATCC 22019; (B) Ramificação de *Candida parapsilosis* ATCC 22019; (C) *Candida parapsilosis* ATCC 22019; (D) *Candida albicans* ATCC 18804.



Figura 4. Colônias obtidas do experimento de verificação da influência de soro humano no padrão fractal de microrganismos potencialmente patogênicos. (A) *S. aureus*, meio Fujikawa com soro; (B) *E. coli* ATTC 25922, meio Davis e Mingioli diluído; (C) *E. coli* ATTC 25922, meio Davis e Mingioli com soro; (D) *B. cereus* ATCC 11778, meio Fujikawa com soro – formação de halo; (E) *B. cereus* ATCC 11778, meio Fujikawa diluído; (F) *B. subtilis* ATCC 19659, meio Fujikawa com soro; (G) *B. subtilis* ATCC 19659, meio Fujikawa diluído; (I) *S. typhi* ATCC 6539, meio Davis e Mingioli diluído; (I) K12 MG1655, meio Davis e Mingioli com soro; (J) K12 MG1655, meio Davis e Mingioli diluído.



Figura 5. Validação da abordagem de utilização do *software IMAGEJ* 1.46r. (A) Matsushita e Fujikawa, 1990; (B) Fujikawa, 1994; (C) Matsuyama e Matsushita, 1992; (D) Matsuyama e Matsushita, 1992; (E) Bem-Jacob *et al.* 2000; (F) Mihail *et al.* 1995; (G) Mihail *et al.* 1995; (H) Mihail *et al.* 1995; (I) Mihail *et al.* 1995; (J) Mihail *et al.* 1995.

528 9. CRONOGRAMA

N°	Descrição	Ago 2012	Set	Out	Nov	Dez	Jan 2013	Fev	Mar	Abr	Mai	Jun	Jul
1	Levantamento bibliográfico	Х	х	х	Х	х	Х	х	Х	х	х	х	Х
2	Revisão de definições, classificações e dimensão de fractais	Х	х	x	х								
3	Obtenção de colônias fractais de microrganismos	Х	Х	x	X	Х	Х						
4	Verificação da influência de soro humano no padrão fractal de microrganismos potencialmente patogênicos				X	X	Х	X					
5	Cálculo da dimensão fractal de colônias pelo método <i>Box</i> <i>counting</i>					X	х	X	X	X			
6	Análise estatística dos dados									х	х	х	
7	Elaboração do Resumo e Relatório Final. Preparação da Apresentação Final para o Congresso											X	X